



ZLECENIE BADAŃ MOLEKULARNYCH *

NR BADANIA: (wypełnia Zakład Mikrobiologii SU)

DANE JEDNOSTKI ZLECAJĄCEJ / ODBIORCA WYNIKU:
(pieczęć)

DANE PACJENTA:

Nr ośrodka kosztów:

Telefon: Data zlecenia:
DANE LEKARZA ZLECAJĄCEGO BADANIE:

Nazwisko:

Imię:

--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--

PESEL /
ID pacjenta:

--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--

Data urodzenia: Płeć: K M

Adres:

Pieczęć i podpis lekarza:

Seria i nr dok. tożsamości:

MATERIAŁ POBRANY DO BADANIA:

Data: godzina:

TRYB BADANIA (zaznacz właściwe):

CITO

RUTYNA

- Krew na EDTA
- Krew na skrzep
- Wymaz z nosogardła
- Wymaz z nosa
- Wymaz z gardła
- Wymaz z policzka
- Ślina
- Wymaz z krtani
- Płyn stawowy

- BAL
- Popłuczyny oskrzelowe
- Wydzielina z drzewa oskrzelowego
- Płwocina
- Aspirat z tchawicy
- Płyn opłucnowy
- Płyn mózgowo-rdzeniowy
- Wymaz z miejsca replikacji
- Wymaz z cewki moczowej
- Wymaz z pochwy
- Wymaz z szyjki macicy
- Płyn owodniowy
- Mocz z pierwszego strumienia
- Kał
- Wymaz z odbytu
- S p e r m a
- Inny

- HCV RNA jakościowo
- HCV RNA ilościowo
- HCV RNA ilościowo – CITO
- HCV RNA – genotypowanie (1-7)/subtypy 1a i 1b
- HIV-1 RNA ilościowo
- HIV-1 RNA ilościowo – CITO
- HIV-1/HIV-2 RNA jakościowo
- DNA allelu HLA-B*5701
- HBV DNA ilościowo
- HBV DNA ilościowo- CITO
- HBV DNA - lekooporność (entecavir, lamivudyna, adefovir, telbivudyna)
- HEV RNA ilościowo
- CMV DNA ilościowo
- CMV DNA jakościowo (zakażenia wrodzone)
- EBV DNA ilościowo
- HHV-6 DNA ilościowo
- HHV-6 DNA w PMR jakościowo
- HHV-8 DNA jakościowo
- HSV typ 1&2 DNA ilościowo
- VZV DNA ilościowo
- Parvovirus B19 DNA ilościowo
- BK/JC Virus DNA ilościowo
- JCV DNA ilościowo w PMR
- Wirus małpiej ospy (MPXV) DNA
- SARS-CoV-2 RNA – CITO
- SARS-CoV-2/Grypa A/Grypa B/RSV RNA – CITO
- Panel oddechowy DNA/RNA
- Panel oddechowy DNA/RNA – górne drogi oddechowe – CITO
- Panel oddechowy DNA/RNA – dolne drogi oddechowe – CITO
- Panel w kierunku molekularnej diagnostyki czynników etiologicznych zakażeń dróg oddechowych

- Panel w kierunku diagnostyki patogenów neurotropowych DNA/RNA – CITO
- Panel w kierunku diagnostyki molekularnej chorób odkleszczowych
- Borrelia* DNA jakościowo
- Panel w kierunku diagnostyki molekularnej drobnoustrojów w płynie stawowym – CITO
- Panel w kierunku diagnostyki zakażeń układu pokarmowego DNA/RNA – CITO
- Clostridioides difficile*: Identyfikacja szczepu (027-NAP1-BI), toksyny B (tcdB) i binarnej (tcdA) – CITO
- CPE DNA (Carbapenemase Producing *Enterobacteriales*): IMP, VIM, NDM, KPC, OXA-48
- CPE DNA (Carbapenemase Producing *Enterobacteriales*): IMP, VIM, NDM, KPC, OXA-48 – CITO
- HPV DNA – 14 genotypów (screening)
- HPV DNA – 28 genotypów
- Panel zakażeń układu moczowo-płciowego
- Panel w kierunku molekularnej diagnostyki zapalenia pochwy wywołanych zaburzeniami mikrobioty
- Chlamydia trachomatis/Neisseria gonorrhoeae* DNA ilościowo – CITO
- Mycoplasma hominis/genitalium, Ureaplasma urealiticum/parvum* DNA (wyłącznie noworodki)
- Wykrywanie kompleksu *Mycobacterium tuberculosis* oraz mutacji związanych z opornością na ryfampicynę – CITO
- Panel zakażeń drobnoustrojami atypowymi: *Chlamydia pneumoniae/Mycoplasma pneumoniae/Legionella pneumophila* DNA
- Pneumocystis jirovecii* DNA ilościowo
- Bordetella pertussis/parapertussis/holmesii* DNA jakościowo
- Toxoplasma gondii* DNA jakościowo
- Denga, Zika, Chikungunya* RNA jakościowo
- Panel w kierunku molekularnej diagnostyki chorób tropikalnych
- Panel w kierunku molekularnej diagnostyki czynników etiologicznych sepsy
- Panel w kierunku molekularnej diagnostyki czynników etiologicznych zakażeń płynów z jam ciała

ISTOTNE DANE KLINICZNE (rozpoznanie, leczenie):

DANE OSOBY POBIERAJĄCEJ MATERIAŁ: Imię i nazwisko

(pieczęć i podpis)

PRZYJĘCIE MATERIAŁU (wypełnia Zakład Mikrobiologii SU)

Data: godzina: Osoba przyjmująca materiał: (czytelny podpis)

* Na jednym formularzu można zlecić więcej niż jedno badanie



ZLECENIE BADAŃ MOLEKULARNYCH *

Drobnoustroje wykrywane w poszczególnych panelach:

- **Panel oddechowy DNA/RNA (RUTYNA):** Ludzki metapneumowirus, ludzki rinowirus, *Haemophilus influenzae*, *Bordetella pertussis*, *Streptococcus pneumoniae*, wirus SARS-CoV-2, *Legionella pneumophila*, wirus grypy typu A i B, wirus paragrypy typu 1, 2, 3, 4, syncytialny wirus oddechowy (RSV A/B), *Mycoplasma pneumoniae*, adenowirus, ludzki bokawirus, enterowirus, ludzki parechowirus, koronawirus 229E, koronawirus HKU1, koronawirus NL63, koronawirus OC43.
- **Panel oddechowy DNA/RNA – górne drogi oddechowe (CITO):** Adenowirus, koronawirus (229E, HKU1, OC43), koronawirus SARS-CoV-2, metapneumowirus, rinowirus/enterowirus, wirus grypy typu A, A/H3, A/H1-2009, B, parainfluenza wirus, syncytialny wirus oddechowy (RSV), *Chlamydia pneumoniae*, *Mycoplasma pneumoniae*; w wymazach z nosogardła: *Bordetella pertussis/parapertussis*; w wymazach z gardła: *Streptococcus dysgalactiae* (grupa C/G), *Streptococcus pyogenes* (grupa A).
- **Panel oddechowy DNA/RNA – dolne drogi oddechowe (CITO):** Kompleks *Acinetobacter calcoaceticus-baumannii*, kompleks *Enterobacter cloacae*, *Escherichia coli*, *Haemophilus influenzae*, *Klebsiella aerogenes*, *Klebsiella oxytoca*, grupa *Klebsiella pneumoniae*, *Moraxella catarrhalis*, *Proteus spp.*, *Pseudomonas aeruginosa*, *Serratia marcescens*, *Staphylococcus aureus*, *Streptococcus agalactiae*, *Streptococcus pneumoniae*, *Streptococcus pyogenes*, *Chlamydia pneumoniae*, *Legionella pneumophila*, *Mycoplasma pneumoniae*, adenowirus, rinowirus/enterowirus, MERS-CoV, koronawirusy (229E, HKU1, OC43, NL63), wirus grypy typu A/B, wirus paragrypy (typy 1-4), metapneumowirus, syncytialny wirus oddechowy (RSV), geny oporności CTX-M, KPC, NDM, IMP, VIM, OXA-48, mecA/C oraz MREJ (MRSA).
- **Panel w kierunku diagnostyki patogenów neurotropowych DNA/RNA:** *E. coli K1*, *H. influenzae*, *L. monocytogenes*, *N. meningitidis* (szczep odczkowy), *S. agalactiae*, *S. pneumoniae*, CMV, Enterowirus (EV), HSV1/HSV2, HHV6, Parechowirus (HPeV), wirus ospy wietrznej VZV.
- **Panel w kierunku diagnostyki molekularnej chorób odkleszczowych:** *Borrelia burgdorferi sensu lato* (*Borrelia burgdorferi sensu lato*), *Anaplasma phagocitophilum*, *Coxiella burnetii*, *Rickettsia spp.*, *Babesia microti/Babesia divergens*, *Ehrlichia chafeensis/Ehrlichia muris*, tick-borne encephalitis virus (TBEV).
- **Panel w kierunku diagnostyki molekularnej drobnoustrojów w płynie stawowym:** *Anaerococcus prevotii/vaginalis*, *Clostridium perfringens*, *Cutibacterium avidum/granulosum*, *Enterococcus faecalis*, *Enterococcus faecium*, *Fingoldia magna*, *Parvimonas micra*, *Peptoniphilus*, *Peptostreptococcus anaerobius*, *Staphylococcus aureus*, *Staphylococcus lugdunensis*, *Streptococcus spp.*, *Streptococcus agalactiae*, *Streptococcus pneumoniae*, *Streptococcus pyogenes*, *Bacteroides fragilis*, *Citrobacter*, *Enterobacter cloacae complex*, *E. coli*, *Haemophilus influenzae*, *Kingella kingae*, *Klebsiella aerogenes*, *Klebsiella pneumoniae*, *Morganella morganii*, *Neisseria gonorrhoeae*, *Proteus spp.*, *Pseudomonas aeruginosa*, *Salmonella spp.*, *Serratia marcescens*, *Candida spp.*, *Candida albicans*, geny oporności CTX-M, KPC, NDM, IMP, VIM, OXA-48, mec A/C oraz MREJ (MRSA), van A/B.
- **Panel w kierunku diagnostyki zakażeń układu pokarmowego DNA/RNA:** *Campylobacter* (*C. jejuni*, *C. coli*, *C. upsaliensis*), *Clostridioides difficile* (toksyna A/B), *Plesiomonas shigelloides*, *Salmonella*, *Vibrio* (*V. parahaemolyticus*, *V. vulnificus*, *V. cholerae*), *Vibrio cholerae*, *Yersinia enterocolitica*, szczepy adherentne *E. coli* (EAEC), szczepy enteropatogenne *E. coli* (EPEC), szczepy enterotoksyczne (ETEC) st/It, szczepy werotoksyczne *E. coli* (STEC) stx1/stx2, *E. coli* O:157, *Shigella*/szczepy enteroinwazyjne *E. coli* (EIEC), Adenowirus F40/41, Astrowirus, Norowirus GI, GII, Rotawirus, Sapowirus (I,II,IV,V), *Cryptosporidium*, *Cyclospora cayentanensis*, *Entamoeba histolytica*, *Giardia lamblia*.
- **Panel zakażeń układu moczowo-płciowego:** *Chlamydia trachomatis*, *Neisseria gonorrhoeae*, *M. hominis*, *M. genitalium*, *U. urealyticum/parvum* *S. agalactiae*, *Treponema pallidum*, *Haemophilus ducreyi*, *Trichomonas vaginalis*, HSV1, HSV2.
- **Panel w kierunku molekularnej diagnostyki zapalení pochwy wywołanych zaburzeniami mikrobioty:** *C. parapsilosis*, *C. orthopsilosis*, *C. metapsilosis*, *C. albicans*, *C. tropicalis*, *C. glabrata*, *C. krusei*, *Gardnerella vaginalis*, *Atopobium vaginae*, *Lactobacillus crispatus*, *Lactobacillus iners*, *Lactobacillus jensenii*, *Lactobacillus gasseri*.
- **Panel w kierunku molekularnej diagnostyki chorób tropikalnych:** Crimean-Congo Hemorrhagic Fever virus (CCHFV), Dengue virus (DENV), Mayaro Virus, West Nile Virus (WNV), Zika virus (ZIKV), Yellow fever virus, Chikungunya virus (CHIKV), Japanese Encephalitis (JE) virus, *Trypanosoma cruzi*, *Plasmodium malaride*, *Plasmodium knowlesi*, *Plasmodium ovale*, *Plasmodium falciparum*, *Plasmodium vivax*, *Leishmania spp.*
- **Panel w kierunku molekularnej diagnostyki czynników etiologicznych sepsy/zakażeń dróg oddechowych/płynów z jam ciała:** *Abiotrophia defectiva*, *Acinetobacter baumannii*, *Actinobacillus pleuropneumoniae*, *Anaerococcus spp.*, *Bacteroides fragilis*, *Bordetella pertussis*, *Borrelia spp.*, *Borrelia burgdorferi*, *Brucella spp.*, *Burkholderia cepacia complex*, *Burkholderia pseudomallei*, *Campylobacter spp.*, *Citrobacter koseri*, *Citrobacter freundii complex*, *Corynebacterium spp.*, *Corynebacterium diphtheriae*, *Corynebacterium jeikeium*, *Corynebacterium ulcerans*, *Enterobacter cloacae*, *Enterobacter cloacae complex*, *Enterococcus faecalis*, *Enterococcus faecium*, *Escherichia coli*, *Fingoldia magna*, *Fusobacterium spp.*, *Fusobacterium nucleatum*, *Fusobacterium necrophorum*, *Granulicatella adiacens*, *Haemophilus haemolyticus*, *Haemophilus influenzae*, *Helicobacter pylori*, *Klebsiella aerogenes*, *Klebsiella oxytoca*, *Klebsiella pneumoniae*, *Legionella pneumophila*, *Listeria spp.*, *Moraxella catarrhalis*, *Morganella morganii*, *Neisseria meningitidis*, *Pasteurella multocida*, *Prevotella buccae*, *Prevotella intermedia*, *Proteus spp.*, *Proteus mirabilis*, *Providencia stuartii*, *Pseudomonas aeruginosa*, *Salmonella enterica*, *Serratia marcescens*, *Staphylococcus aureus*, *Staphylococcus non-aureus Stenotrophomonas maltophilia group*, *Streptococcus anginosus group*, *Streptococcus agalactiae*, *Streptococcus dysgalactiae*, *Streptococcus pneumoniae*, *Streptococcus pyogenes*, *Streptococcus salivarius group*, *Yersinia enterocolitica*, *Aspergillus spp.*, *Aspergillus clavatus*, *Aspergillus flavus*, *Aspergillus fumigatus*, *Aspergillus niger*, *Aspergillus terreus*, *Candida spp.*, *Candida albicans*, *Candida dubliniensis*, *Candida parapsilosis*, *Candida tropicalis*, *Candida glabrata*, *Cryptococcus neoformans*, *Cryptococcus gattii*, *Fusarium oxysporum species complex*, *Fusarium solani species complex*, *Pichia kudriavzevii*, *Pneumocystis jirovecii*, *Pneumocystis murina*, *Scedosporium spp.*, 4 geny związane z bakteriami Gram-dodatnimi (vanA, vanB, mecA, mecC) oraz 5 genów oporności związanych z bakteriami Gram-ujemnymi (CTX m1/m3, IMP, KPC, NDM, OXA-48).

* Na jednym formularzu można zlecić więcej niż jedno badanie