



Szpital Uniwersytecki w Krakowie
Zakład Mikrobiologii
Pracownia Diagnostyki Molekularnej
30-688 Kraków, ul. M. Jakubowskiego 2
tel.: 12 400 36-50, 36-56, 36-57

MIEJSCE NA
KOD KRESKOWY

Załącznik ZAŁ04-P-ZM-01

kod: 000000018583-88-797

<http://www.su.krakow.pl/jednostki/zaklady/zaklad-mikrobiologii>

ZLECENIE BADAŃ MOLEKULARNYCH *

NR BADANIA: (wypełnia Zakład Mikrobiologii SU)

DANE JEDNOSTKI ZLECAJĄCEJ / ODBIORCA WYNIKU:
(pieczęć)

Nr ośrodka kosztów:

Telefon: Data zlecenia:

DANE LEKARZA ZLECAJĄCEGO BADANIE:

Pieczęć i podpis lekarza:

DANE PACJENTA:

Nazwisko:

Imię:

PESEL /

ID pacjenta:

Data urodzenia: Płeć: ☐ K ☐ M

Adres:

Seria i nr dok. tożsamości:

MATERIAŁ POBRANY DO BADANIA:

Data: godzina:

TRYB BADANIA (zaznacz właściwe):

CITO

RUTYNA

- ☐ Krew na EDTA
- ☐ Krew na skrzep
- ☐ Wymaz z nosogardła
- ☐ Wymaz z nosa
- ☐ Wymaz z gardła
- ☐ Wymaz z policzka
- ☐ Ślina
- ☐ Wymaz z krtani
- ☐ Płyn stawowy

- ☐ BAL
- ☐ Popłuczyny oskrzelowe
- ☐ Wydzielina z drzewa oskrzelowego
- ☐ Plwocina
- ☐ Aspirat z tchawicy
- ☐ Płyn opłucnowy
- ☐ Płyn mózgowo-rdzeniowy
- ☐ Wymaz z miejsca replikacji
- ☐ Wymaz z cewki moczowej
- ☐ Wymaz z pochwy
- ☐ Wymaz z szyjki macicy
- ☐ Płyn owodniowy
- ☐ Mocz z pierwszego strumienia
- ☐ Kał
- ☐ Wymaz z odbytu
- ☐ Sperma
- ☐ Inny

- ☐ HCV RNA jakościowo
- ☐ HCV RNA ilościowo
- ☐ HCV RNA ilościowo – CITO
- ☐ HCV RNA – genotypowanie (1-7) /subtypy 1a i 1b
- ☐ HIV-1 RNA ilościowo
- ☐ HIV-1 RNA ilościowo – CITO
- ☐ HIV-1/HIV-2 RNA jakościowo
- ☐ DNA allelu HLA-B*5701
- ☐ HBV DNA ilościowo
- ☐ HBV DNA ilościowo- CITO
- ☐ HBV DNA – lekooporność (entecavir, lamivudyna, adefovir, telbivudyna)
- ☐ HEV RNA ilościowo
- ☐ CMV DNA ilościowo
- ☐ CMV DNA jakościowo (zakażenia wrodzone)
- ☐ EBV DNA ilościowo
- ☐ HHV-6 DNA ilościowo
- ☐ HHV-6/HHV-7 DNA z PMR jakościowo
- ☐ HHV-8 DNA jakościowo
- ☐ HSV typ 1&2 DNA ilościowo
- ☐ VZV DNA ilościowo
- ☐ Parvovirus B19 DNA ilościowo
- ☐ BK/JC Virus DNA ilościowo
- ☐ JCV DNA ilościowo w PMR
- ☐ Wirus małpiej ospy (MPXV) DNA
- ☐ HPV DNA – 14 genotypów (screening)
- ☐ HPV DNA – 28 genotypów
- ☐ SARS-CoV-2 RNA – tryb CITO
- ☐ Grypa A/Grypa B/RSV RNA – tryb CITO
- ☐ Wykrywanie kompleksu Mycobacterium tuberculosis oraz mutacji związanych z opornością na ryfampicynę – CITO
- ☐ Panel oddechowy DNA/RNA (21 wirusów/Mykoplasma pneumoniae)
- ☐ Panel oddechowy DNA/RNA (w tym SARS CoV-2) - tryb CITO
- ☐ Panel Meningitis/Encephalitis DNA: E. coli K1/H. influenza/L. monocytogenes/N. meningitidis/S. agalactiae/S. pneumoniae/ CMV/ Enterovirus/ HSV1/HSV2/HHV6/ Parechovirus/VZV/ Cryptococcus neoformans/gattii – tryb CITO

- ☐ Molekularna diagnostyka zapalenia pochwy wywołanych zaburzeniami mikrobioty – wymaz z pochwy
- ☐ Panel gastroenterologiczny DNA/RNA: Campylobacter (C.jejuni, C. upsaliensis, C. coli), Clostridium difficile (toxin A/B), Enteraggregative E.coli (EAEC), Enteroinvasive E.coli (EIEC)/ Shigella, Enteropathogenic E.coli (EPEC), Enterotoxigenic E.coli (ETEC) It/ st, Plesiomonas shigelloides, Salmonella spp., Adenovirus F40/41, Astrovirus, Norovirus (GI, GII), Rotavirus A, Sapovirus (GI, GII, GIV, GV), Shiga-like toxin-producing E.coli (STEC) stx1/ stx2, Vibrio (V. vulnificus, V. parahaemolyticus, V.cholerae), Yersinia enterocolitica, Cryptosporidium, Cyclospora cayentensis, Entamoeba histolytica, Giardia lamblia - CITO
- ☐ Clostridioides difficile: Identyfikacja szczepu (027-NAP1-BI), toksyny B (tcdB) i binamej (tcdA) - CITO
- ☐ CPE DNA (Carbapenemase Producing Enterobacterales: (IMP, VIM, NDM, KPC, OXA-48) - RUTYNA
- ☐ CPE DNA (Carbapenemase Producing Enterobacterales: (IMP, VIM, NDM, KPC, OXA-48) – CITO
- ☐ Panel zakażeń układu moczowo-płciowego: Chlamydia trachomatis DNA/Neisseria gonorrhoeae DNA/ M. hominis/M. genitalium/U. urealiticum/parvum DNA/S. agalactiae/Treponema pallidum/ Haemophilus ducreyi/ Trichomonas vaginalis/ HSV1/ HSV2
- ☐ Chlamydia trachomatis/ Neisseria gonorrhoeae DNA ilościowo - CITO
- ☐ Mycoplasma hominis/genitalium, Ureaplasma urealiticum/parvum DNA (wyłącznie noworodki)
- ☐ Panel zakażeń drobnoustrojami atypowymi: Chlamydophila pneumoniae/Mykoplasma pneumoniae/Legionella pneumophila DNA
- ☐ Pneumocystis jirovecii DNA ilościowo
- ☐ Bordetella pertussis/parapertussis/holmesii DNA jakościowo
- ☐ Toxoplasma gondii DNA jakościowo
- ☐ Borrelia DNA jakościowo
- ☐ Denga, Zika, Chikungunya RNA jakościowo
- ☐ Panel w kierunku diagnostyki chorób tropikalnych: Crimean-Congo Hemorrhagic Fever virus (CCHFV), Dengue virus (DENV), Ebola virus, Hantavirus, Mayaro Virus, Rift Valley virus, West Nile Virus (WNV), Zika virus (ZIKV), Yellow fever virus, Chikungunya virus (CHIKV), Japanese Encephalitis (JE) virus, Trypanosoma cruzi, Plasmodium spp., Brucella spp., Coxiella burnetii, Burkholderia pseudomallei, Salmonella spp., Rickettsia spp., Leptospira spp., Leishmania spp., Streptococcus pneumoniae

* Na jednym formularzu można zlecić więcej niż jedno badanie



Szpital Uniwersytecki w Krakowie
Zakład Mikrobiologii
Pracownia Diagnostyki Molekularnej
30-688 Kraków, ul. M. Jakubowskiego 2
tel.: 12 400 36-50, 36-56, 36-57

Załącznik ZAŁ04-P-ZM-01

kod: 000000018583-88-797

<http://www.su.krakow.pl/jednostki/zaklady/zaklad-mikrobiologii>

ZLECENIE BADAŃ MOLEKULARNYCH *

- ☐ **Molekularna diagnostyka sepsy:** *Abiotrophia defectiva*, *Acinetobacter baumannii*, *Actinobacillus pleuropneumoniae*, *Anaerococcus* spp., *Bacteroides fragilis*, *Bordetella pertussis*, *Borrelia* spp., *Borrelia burgdorferi*, *Brucella* spp., *Burkholderia cepacia* complex, *Burkholderia pseudomallei*, *Campylobacter* spp., *Citrobacter koseri*, *Citrobacter freundii* complex, *Corynebacterium* spp., *Corynebacterium diphtheriae*, *Corynebacterium jeikeium*, *Corynebacterium ulcerans*, *Enterobacter cloacae*, *Enterobacter cloacae* complex, *Enterococcus faecalis*, *Enterococcus faecium*, *Escherichia coli*, *Finlandia magna*, *Fusobacterium* spp., *Fusobacterium nucleatum*, *Fusobacterium necrophorum*, *Granulicatella adiacens*, *Haemophilus haemolyticus*, *Haemophilus influenzae*, *Helicobacter pylori*, *Klebsiella aerogenes*, *Klebsiella oxytoca*, *Klebsiella pneumoniae*, *Legionella pneumophila*, *Listeria* spp., *Moraxella catarrhalis*, *Morganella morganii*, *Neisseria meningitidis*, *Pasteurella multocida*, *Prevotella buccae*, *Prevotella intermedia*, *Proteus* spp., *Proteus mirabilis*, *Providencia stuartii*, *Pseudomonas aeruginosa*, *Salmonella enterica*, *Serratia marcescens*, *Staphylococcus aureus*, *Staphylococcus non-aureus* *Stenotrophomonas maltophilia* group, *Streptococcus anginosus* group, *Streptococcus agalactiae*, *Streptococcus dysgalactiae*, *Streptococcus pneumoniae*, *Streptococcus pyogenes*, *Streptococcus salivarius* group, *Yersinia enterocolitica*, *Aspergillus* spp., *Aspergillus clavatus*, *Aspergillus flavus*, *Aspergillus fumigatus*, *Aspergillus niger*, *Aspergillus terreus*, *Candida* spp., *Candida albicans*, *Candida dubliniensis*, *Candida parapsilosis*, *Candida tropicalis*, *Candida glabrata*, *Cryptococcus neoformans*, *Cryptococcus gattii*, *Fusarium oxysporum* species complex, *Fusarium solani* species complex, *Pichia kudriavzevii*, *Pneumocystis jirovecii*, *Pneumocystis murina*, *Scedosporium* spp., 4 geny związane z bakteriami Gram-dodatnimi (*vanA*, *vanB*, *mecA*, *mecC*) oraz 5 genów oporności związanych z bakteriami Gram-ujemnymi (CTX m1/m3, IMP, KPC, NDM, OXA-48)
- ☐ **Molekularna diagnostyka zakażeń dróg oddechowych i płynów z jam ciała:** *Abiotrophia defectiva*, *Acinetobacter baumannii*, *Actinobacillus pleuropneumoniae*, *Anaerococcus* spp., *Bacteroides fragilis*, *Bordetella pertussis*, *Borrelia* spp., *Borrelia burgdorferi*, *Brucella* spp., *Burkholderia cepacia* complex, *Burkholderia pseudomallei*, *Campylobacter* spp., *Citrobacter koseri*, *Citrobacter freundii* complex, *Corynebacterium* spp., *Corynebacterium diphtheriae*, *Corynebacterium jeikeium*, *Corynebacterium ulcerans*, *Enterobacter cloacae*, *Enterobacter cloacae* complex, *Enterococcus faecalis*, *Enterococcus faecium*, *Escherichia coli*, *Finlandia magna*, *Fusobacterium* spp., *Fusobacterium nucleatum*, *Fusobacterium necrophorum*, *Granulicatella adiacens*, *Haemophilus haemolyticus*, *Haemophilus influenzae*, *Helicobacter pylori*, *Klebsiella aerogenes*, *Klebsiella oxytoca*, *Klebsiella pneumoniae*, *Legionella pneumophila*, *Listeria* spp., *Moraxella catarrhalis*, *Morganella morganii*, *Neisseria meningitidis*, *Pasteurella multocida*, *Prevotella buccae*, *Prevotella intermedia*, *Proteus* spp., *Proteus mirabilis*, *Providencia stuartii*, *Pseudomonas aeruginosa*, *Salmonella enterica*, *Serratia marcescens*, *Staphylococcus aureus*, *Staphylococcus non-aureus* *Stenotrophomonas maltophilia* group, *Streptococcus anginosus* group, *Streptococcus agalactiae*, *Streptococcus dysgalactiae*, *Streptococcus pneumoniae*, *Streptococcus pyogenes*, *Streptococcus salivarius* group, *Yersinia enterocolitica*, *Aspergillus* spp., *Aspergillus clavatus*, *Aspergillus flavus*, *Aspergillus fumigatus*, *Aspergillus niger*, *Aspergillus terreus*, *Candida* spp., *Candida albicans*, *Candida dubliniensis*, *Candida parapsilosis*, *Candida tropicalis*, *Candida glabrata*, *Cryptococcus neoformans*, *Cryptococcus gattii*, *Fusarium oxysporum* species complex, *Fusarium solani* species complex, *Pichia kudriavzevii*, *Pneumocystis jirovecii*, *Pneumocystis murina*, *Scedosporium* spp., 4 geny związane z bakteriami Gram-dodatnimi (*vanA*, *vanB*, *mecA*, *mecC*) oraz 5 genów oporności związanych z bakteriami Gram-ujemnymi (CTX m1/m3, IMP, KPC, NDM, OXA-48)

ISTOTNE DANE KLINICZNE (rozpoznanie, leczenie):

DANE OSOBY POBIERAJĄCEJ MATERIAŁ: Imię i nazwisko

(pieczęć i podpis)

PRZYJĘCIE MATERIAŁU (wypełnia Zakład Mikrobiologii SU)

Data: godzina: Osoba przyjmująca materiał: (czytelny podpis)

* Na jednym formularzu można zlecić więcej niż jedno badanie